

ZAKLJUČAK

Moderne metode pruganja omogućavaju analizu pojedinih pruga unutar jednog hromozoma, a u jednoj pruzi se može nalaziti više stotina aktivnih gena. Vjerovatno će u budućnosti preciznijim metodama biti dostupna analiza grupa gena ili pojedinih gena kada bi se mogao odrediti koji je poremećaj na nivou gena ili grupe gena odgovoran za pojavu branhiogenih anomalija. Sada nam citogenska analiza ne može dati takav odgovor. Ipak, nije bez značaja činjenica da u kontrolnoj grupi nismo našli niti jedan patološki kariotip, a da smo u prvoj grupi našli jednog ispitanika sa mozaicizmom i dva sa pericentričnom inverzijom 9. Za definitivnu ocjenu značaja mozaicizma i pericentrične inverzije 9 za incidenciju branhiogenih anomalija, bio bi potreban daleko veći uzorak ispitanika sa branhiogenim anomalijama.